

生物样本数据库（BioSample）使用说明

数据库简介	2
用户注册	2
BioSample 创建.....	3
批量样本提交模式（推荐）	3
单个样本提交模式	8
BioSample 修改和删除.....	13
BioSample 发布.....	15

数据库简介

生物样本数据库（BioSample）是收集与共享生物样本信息的资源库，提供生物样本的结构化描述信息递交和发布，样本类型涵盖人、动物、植物、微生物（含环境微生物）、病毒等。

用户注册

请您进入生物数据递交系统（BIG Submission, <https://bigd.big.ac.cn/gsub/>) 完成账号注册，建议**使用实验室公共邮箱进行注册**。如果您在账号注册和使用过程中遇到任何问题，请联系 bigd-admin@big.ac.cn。



Register Form

Account Login Information

Email*

Password*

Confirm password

Personal Information

First Name*

Middle Name

Last Name*

Street Address*

City*

State/Province

Postal Code*

Country

Institutional Information

Institute/Organization*

Department*

Lab

Title/Position

Research area

BioSample 创建

账户注册完成后，即可进入 BIG Sub 统一递交入口，目前 BioSample 数据库支持两种数据提交模式（Submission type），分别为**批量样本提交（Batch BioSamples）**和**单个样本提交（Single BioSample）**。大多数提交的生物样品需要一个以上的样本，建议用户使用“批量样本提交模式”进行 BioSample 创建。

The image shows two screenshots of the BIG Sub submission portal. The top screenshot displays the main dashboard with six data submission options: BioProject, BioSample, Genome Sequence Archive (GSA), Genome Warehouse (GWH), Genome Variation Map (GVM), and BioCode. The BioSample option is highlighted with a red box. A red banner at the top right of the dashboard states: "本系统支持中英文双语言模式，可随时自由切换" (This system supports Chinese and English bilingual mode, and can be switched at any time). Below the dashboard, a downward arrow points to the second screenshot, which shows the BioSample submission page. A red box highlights the "新建 BioSample" (New BioSample) button.

批量样本提交（Batch BioSamples）模式（推荐）

只要您一次性上传的样本数大于 1，建议您使用批量样本提交（Batch BioSamples），具体步骤如下：

- **提交者信息（Submitter）**—用于收集数据提交者信息，系统会帮您自动填入用户注册时姓名和电子邮件信息，如部分信息需要调整，可直接修改并通过“保存并进入下一项（Save and forward）”键完成修改。

请注意，数据信息审核与文件归档过程中出现任何问题，信息将反馈到您的注册邮箱，而非此处填入的提交者信息邮箱。

BIG Sub / BioSample / New BioSample

01 提交者信息 02 基本信息 03 样本类型 04 样本属性 05 概况信息

提交者信息

* 名: Zhang, 中间名: middle name, * 姓氏: Sisi

* 邮箱: zhangsa@big.ac.cn, 备用邮箱: secondary email

* 单位: Beijing Institute of Genomics, Chi, 单位网址: http://www.big.ac.cn, * 部门: BIG Data Center

手机: , 传真:

* 街道: Belchen West Road, * 城市: Beijing, 州/省:

* 邮编: 100101, * 国家/地区: China

保存并进入下一项

- **基本信息 (General)**—用于收集有关 BioSample(s)的描述信息, 包括发布日期 (Release date)、提交类型 (Submission type)、项目编号 (Project accession);

01 提交者信息 02 基本信息 03 样本类型 04 样本属性 05 概况信息

基本信息

发布日期

审核通过后即可发布 (推荐)

指定日期发布

2019-06-26 (yyyy-mm-dd)

设定 BioSample 的发布日期, 通常状况下可与 BioProject 的发布日期保持一致

提交类型

批量样本提交 如需批量提交, 请一定要选择 Batch BioSamples

单个样本提交

基本信息

* 项目编号: PRJCA000644 OR Go to create BioProject

保存并进入下一项

- **样本类型 (Sample Type)**—此页收集有关样本类型信息。若 BioProject 包含不同类型样本类型 (Sample type), 您需要进行多次创建。

01 提交者信息 | 02 基本信息 | **03 样本类型** | 04 样本属性 | 05 概况信息

样本类型

- Pathogen
用于与公共卫生相关的病原体样本
 - Clinical or host-associated
 - Environmental, food or other
- Microbe
用于能具体写出物种名称的微生物样本，但不包括致病菌或病毒样本。宏基因组数据建议选择Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS unsupported)或Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS compliant)
- Animal
用于模式生物或多细胞生物的多细胞样本或细胞系样本，如大鼠、小鼠、果蝇、线虫、鱼类、两栖类或其他哺乳动物数据
- Human ▲
仅用于**没有隐私问题**的细胞系样本。根据最新《[中华人民共和国人类遗传资源管理条例](#)》总则中规定，人类遗传资源包括人类遗传资源材料和人类遗传资源信息。建议符合涉及人类遗传资源信息的数据，特别是科技部人类遗传资源管理部门明确禁止出境的样本数据（如：国际合作、特殊人群队列以及大规模人群队列项目样本），提交到GSA for human数据库，如有需求请联系 gsa@big.ac.cn
- Plant
用于植物样本或植物细胞系样本
- Virus
用于所有与疾病无关的病毒样本，病原体应归类为Clinical or host-associated pathogen
- Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS unsupported)
目前用于不适用于Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS compliant) 的宏基因组生物样本数据
- Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS compliant)
用于宏基因组生物样本数据，下述三个小类分别接收来自人类胃肠道、土壤和水相关宏基因组数据，即human-gut, soil, water
 - human-gut
 - soil
 - water

[保存并进入下一项](#)

以 Human 为例

注：遵从《中华人民共和国人类遗传资源管理条例》总则规定，如果您确定需要将数据提交到 GSA-Human 数据库，请先删除当前所有已提交信息再联系 gsa@big.ac.cn 邮箱。

• **样本属性 (Attributes)** —用于收集样本的属性信息，具体批量提交步骤如下：

- 1) 下载批量提交模板文件，如下图中的 [Human.cn.xlsx \(中文版\)](#)，[e.g.Human.cn.xlsx](#) 为例子文档。更多帮助，请查看 [Help](#)；

注：每次上传时，重新下载模板可确保获得最新和最正确的版本。

01 提交者信息 | 02 基本信息 | 03 样本类型 | **04 样本属性** | 05 概况信息

人样本属性信息

* 上传BioSample批量提交文件

请选择文件 [上传](#)

1 BioSample批量提交模板文件 [Human.cn.xlsx](#)，完成填写并检查无误后上传。
BioSample批量提交示例，详见 [e.g.Human.cn.xlsx](#)。
更多帮助，请查看 [Help](#)。

[保存并进入下一项](#)

- 2) 编辑模板文件并检查无误后，通过文件选择框进行文件上传；

01 提交者信息 02 基本信息 03 样本类型 **04 样本属性** 05 概况信息

人样本属性信息

* 上传BioSample批量提交文件

请选择文件 上传

① BioSample批量提交模板文件 [Human.cn.xlsx](#)，完成填写并检查无误后上传。
BioSample批量提交示例，详见 [e.g.Human.cn.xlsx](#)。
更多帮助，请查看 [Help](#)。

保存并进入下一项

3) 上传完成后，通过点击“**校验**”键,进行批量表格在线审核：

01 提交者信息 02 基本信息 03 样本类型 **04 样本属性** 05 概况信息

人样本属性信息

* 已上传的BioSample批量提交文件

5.Human.cn.test4.xlsx 50KB 删除 **校验**

① 请点击“校验”按钮对批量提交文件进行在线审核。若文件审核通过，请点击“保存并进入下一项”完成BioSample批量提交；若文件审核未通过，请删除已上传文件并修改后再重新上传。

保存并进入下一项

4) 若文件审核不通过，请点击“**删除**”键，删除已上传的文件并系统按提示信息修改后，再重新上传批量表格文件，直至审核通过；当文件审核通过，请点击“**保存并进入下一项**”键，完成批量样本提交；

01 提交者信息 02 基本信息 03 样本类型 **04 样本属性** 05 概况信息

人样本属性信息

* 已上传的BioSample批量提交文件

5.Human.cn.test4.xlsx 50KB **删除** 校验 **✖ ERROR:**

下载错误文件: [error.txt](#)

Error in Sample sheet
row 11, column 1: "sample_name" ("scRNA-seq of WJMISC21") already exist in this project
row 12, column 1: "sample_name" ("scRNA-seq of WJMISC22") already exist in this project
row 13, column 1: "sample_name" ("scRNA-seq of WJMISC23") already exist in this project
row 14, column 1: "sample_name" ("scRNA-seq of WJMISC24") already exist in this project
row 15, column 1: "sample_name" ("scRNA-seq of WJMISC25") already exist in this project
row 16, column 1: "sample_name" ("scRNA-seq of WJMISC26") already exist in this project

① 请点击“校验”按钮对批量提交文件进行在线审核。若文件审核通过，请点击“保存并进入下一项”完成BioSample批量提交；若文件审核未通过，请删除已上传文件并修改后再重新上传。

保存并进入下一项



01 提交者信息 02 基本信息 03 样本类型 **04 样本属性** 05 概况信息

人样本属性信息

* 已上传的BioSample批量提交文件

5.Human.cn.test5.xlsx 50KB 删除 校验 ✔ Checked OK.

① 请点击“校验”按钮对批量提交文件进行在线审核。若文件审核通过，请点击“保存并进入下一项”完成BioSample批量提交；若文件审核未通过，请删除已上传文件并修改后再重新上传。

保存并进入下一项

- **概况信息 (Overview)** —用于提供对样本及其属性的整体预览。在正式提交之前，用户可通过点击进度条上的按钮，进入相应页面修改 Sample 信息。

注：样本信息提交后，用户将无法再修改关联项目编号 (Project accession)，提交类型 (Submission type) 和样本类型 (Sample type)，请务必检查无误后再提交。

01 提交者信息 02 基本信息 03 样本类型 04 样本属性 **05 概况信息**

概况信息 点击进入相应页面进行样本信息修改

提交者信息

提交者: Zhang Sisi
 zhangss@big.ac.cn
 单位: Beijing Institute of Genomics, Chinese Academy of Sciences
 部门: BIG Data Center
 国家/地区: China
 地址: Beichen West Road Beijing
 邮编: 100101

基本信息

项目编号: PRJCA000644
 样本类型: Human sample
 样本数量: 6
 提交时间: 2019-06-26
 发布日期: 2020-12-31
 修改时间: 2019-06-27

属性信息

样本名称	物种	标题	描述
scRNA-seq of WJMISC21	<i>Homo sapiens</i>	scRNA-seq of WJMISC-1	whole-genome sequencing
scRNA-seq of WJMISC22	<i>Homo sapiens</i>	scRNA-seq of WJMISC-2	whole-genome sequencing
scRNA-seq of WJMISC23	<i>Homo sapiens</i>	scRNA-seq of BMMSC BM-1-Hex	whole-genome sequencing
scRNA-seq of WJMISC24	<i>Homo sapiens</i>	Bulk-seq of WJMISC-1	whole-genome sequencing
scRNA-seq of WJMISC25	<i>Homo sapiens</i>	Bulk-seq of WJMISC-2	whole-genome sequencing
scRNA-seq of WJMISC26	<i>Homo sapiens</i>	Bulk-seq of BMMSC BM-1-Hex	whole-genome sequencing

下载属性文件: 5.Human.cn.test5.xlsx

Total Items: 6 | Items of 1 - 6 | Page size: 20 | Page 1/1 | << First | Last >> | Jump To: 1 | GO

提交 完成批量提交 [联系我们](#)



BioSample 用于收集生物样本信息，每一个物理上独立的生物学样本都应该创建一个对应的BioSample。

新建 BioSample

提交编号	样本标题	项目编号	物种名称	提交状态	发布日期	操作
subSAM020692	Batch Submission of Human sample	PRJCA000644	Homo sapiens	finished confidential (6 objects) hide SAMC018351:scRNA-seq of WJMSC21 SAMC018354:scRNA-seq of WJMSC24 SAMC018355:scRNA-seq of WJMSC25 SAMC018356:scRNA-seq of WJMSC26 SAMC018352:scRNA-seq of WJMSC22 SAMC018353:scRNA-seq of WJMSC23	2019-05-15	删除

注：

1. 用户完成 BioSample 创建后，系统将自动为用户生成 **BioSample 编号 (BioSample Accession number)**：SAMC#，如上图中的 SAMC018351，请在 [BIG Search](#) 检索信息时使用此编号。BioSample **提交编号 (Submission ID)**：sub#，如上图 subSAM020698，**请仅在联系 GSA 工作人员时使用，请不要在 [BIG Search](#) 检索信息时使用此编号。**
2. 通常状况下，数据信息审核时间为 1-2 天，**BioSample 审核状态不影响后续填写。**审核通过之后 BioSample 的 Status 状态为 Checked OK; Confidential。BioSample 发布后，Status 状态会变为 Checked OK; Public。

单个样本提交 (Single BioSample) 模式

如果您仅需上传 1 个样本，建议您使用单个样本提交 (Single BioSample)，请参考以下步骤，完成样本的提交：

- **提交者信息 (Submitter)** 会自动填写用户注册时姓名和电子邮件信息，如部分信息需要调整，可直接修改并点击“保存并进入下一项”进入下一步；

BIG Sub / BioSample / New BioSample

01 提交者信息 02 基本信息 03 样本类型 04 样本属性 05 概况信息

提交者信息

* 名: Zhang 中间名: middle name * 姓氏: Sisi

* 邮箱: zhangss@big.ac.cn 备用邮箱: secondary email

* 单位: Beijing Institute of Genomics, Chi 单位网址: http://www.big.ac.cn * 部门: BIG Data Center

手机: 传真:

* 街道: Belchen West Road * 城市: Beijing 州/省:

* 邮编: 100101 * 国家/地区: China

保存并进入下一项

- **基本信息 (General)** —用于收集有关 BioSample 描述信息，包括发布日期 (Release date)、提交类型 (Submission type)、项目编号 (Project accession)、样本标题 (Sample title) 和样本说明信息 (Public description);

01 提交者信息 02 基本信息 03 样本类型 04 样本属性 05 概况信息

基本信息

发布日期

审核通过后即可发布 (推荐)

指定日期发布

2020-12-31

(yyyy-mm-dd)

提交类型

批量样本提交

单个样本提交

基本信息

* 项目编号: OR Go to create BioProject

* 样本标题: Sample title is required

* 样本说明: You should give some description

保存并进入下一项

设定 BioSample 的发布日期，通常状况下可与 BioProject 的发布日期保持一致

• **样本类型 (Sample Type)** —此页收集有关样本类型信息；

01 提交者信息 02 基本信息 **03 样本类型** 04 样本属性 05 概况信息

样本类型

- Pathogen
用于与公共卫生相关的病原体样本
- Clinical or host-associated
- Environmental, food or other
- Microbe
用于能具体写出物种名称的微生物样本，但不包括致病菌或病毒样本。宏基因组数据建议选择的Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS unsupported)或Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS compliant)
- Animal
用于模式生物或动物的多细胞样本或细胞系样本，如大鼠、小鼠、果蝇、线虫、鱼类、两栖类或其他哺乳动物数据
- Human **⚠**
仅用于**没有隐私问题**的细胞系样本。根据最新《[中华人民共和国人类遗传资源管理条例](#)》总则中规定，人类遗传资源包括人类遗传资源材料和人类遗传资源信息。建议将涉及人类遗传资源信息的数据，特别是科技部人类遗传资源管理部门明确禁止出境的样本数据（如：国际合作、特殊人群队列以及大规模人群队列项目样本），提交到GSA for human数据库，如有需求请联系gsa@big.ac.cn
- Plant
用于植物样本或植物细胞系样本
- Virus
用于所有与疾病无关的病毒样本，病原体应归类为Clinical or host-associated pathogen
- Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS unsupported)
目前用于不适用于Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS compliant) 的宏基因组生物样本数据
- Metagenome/Environmental Sample (GSC MIMS compliant)
用于宏基因组生物样本数据，下设三个小类分别接收来自人类胃肠道、土壤和水相关宏基因组数据，即human-gut, soil, water
 - human-gut
 - soil
 - water

保存并进入下一项

以 Human 为例

注：遵从《中华人民共和国人类遗传资源管理条例》总则规定，如果您确定需要将数据提交到 GSA-Human 数据库，请先删除当前所有已提交信息再通过 gsa@big.ac.cn 联系我们。

• **样本属性 (Attributes)** —用于收集样本的属性信息；

01
提交者信息
02
基本信息
03
样本类型
04
样本属性
05
概况信息

人样本属性信息

* 样本名称

* 物种名称

* 样本特征信息

年龄 Year ▼

* 实验材料提供者

* 性别

* 组织类型 Select from the hint list

疾病名称 Select from the hint list

细胞系

细胞亚型

细胞类型 Select from the hint list

样本保藏机构

发育阶段

疾病阶段

民族

健康状况

核型

表型

种群

人种

样本类型

处理方法

例: Isolate: Prostate Cancer Cell Line

参考来源: SAMN06642685 (NCBI)

保存并进入下一项

- **概况信息 (Overview)** — 提供对样本及其属性的整体预览。在正式提交之前，用户可以通过点击进度条上的按钮，进入相应页面修改 Sample 信息。

注：样本信息提交后，用户将无法再修改关联项目编号（Project accession），提交类型（Submission type）和样本类型（Sample type），请务必检查无误后再提交。

01 提交者信息
02 基本信息
03 样本类型
04 样本属性
05 概况信息

概况信息 点击进入相应页面进行项目信息修

提交者信息

提交者	Zhang Sisi zhangss@big.ac.cn
单位	Beijing Institute of Genomics, Chinese Academy of Sciences
部门	BIG Data Center
国家/地区	China
地址	Beichen West Road Beijing
邮编	100101

基本信息

项目编号	PRJCA000644
样本标题	Human
样本说明	Human description
发布日期	2020-12-31

属性

样本名称	scRNA-seq of WJMSC33
物种名称	Homo sapiens
样本特征信息	Blood
实验材料提供者	BIGD
性别	female
组织类型	liver

提交

点击“提交”完成 BioSample 创建


BIG Sub / BioSample

BioSample 用于收集生物样本信息，每一个物理上独立的生物学样本都应该创建一个对应的BioSample。

BioSample Quick Start Guide BioSample使用说明

新建 BioSample	提交编号	样本标题	项目编号	物种名称	提交状态	发布日期	操作
	subSAM023378	Human	PRJCA000644	Homo sapiens	finished confidential SAMC020988 scRNA-seq of WJMSC33	2020-12-31	删除

注：

- 用户完成 BioSample 创建后，系统将自动为用户生成 **BioSample 编号 (BioSample Accession number)**：SAMC#，如上图中的 SAMC020988。请在 [BIG Search](#) 检索信息时使用此编号。**BioSample 提交编号 (Submission ID)**：sub#，如上图 subSAM023378，请仅在联系 GSA 工作人员时使用，请不要在 [BIG Search](#) 检索信息时使用此编号。
- 通常状况下，数据信息审核时间为 1-2 天，BioSample 审核状态不影响后续填写。审核通过之后 BioSample 的 Status 状态为 Checked OK; Confidential。BioSample 发布后，Status 状态会变为 Checked OK; Public。

BioSample 修改和删除

在 BioSample 信息审核通过之前，即提交状态（Status）为 finished；confidential。用户可通过点击“提交编号（Submission ID）”进入样本总览界面，更新发布日期（Release date）；修改提交者信息（Submitter information）；以及修改或删除每个已提交样本属性（Attributes）信息。

注：

- 1) 当您采用"批量样本提交（Batch BioSamples）"方式提交的 BioSample，仅能修改样本属性（Attributes）。如果您希望修改样本标题（Sample title）和样本说明（Public description），请通过 gsa@big.ac.cn 邮箱联系数据库工作组。
- 2) 采用"单个样本提交（Single BioSample）"方式提交的 BioSample 可修改基本信息（Submitter）、基本信息（General）中的发布日期（Release date），样本标题（Sample title）和样本说明（Public description），以及所有样本属性（Attributes）。

提交编号	样本标题	项目编号	物种名称	提交状态	发布日期	操作
subSAM02092	Batch Submission of Human sample	PRJCA000644	Homo sapiens	finished confidential (6 objects) show	2019-05-15	删除



基本信息

项目编号	PRJCA000644
发布日期	2019-05-15 <input type="text"/> <input type="button" value="更新"/>
样本数量	6
样本类型	Human sample
状态	6 Samples are waiting for check
元数据文件	5.Human.cn.test4.xlsx

[联系我们](#)

修改样本的发布日期

提交者信息

提交者	Zhang Sisi
单位	zhangsisi@big.ac.cn
部门	Beijing Institute of Genomics, Chinese Academy of Sciences
国家/地区	BIG Data Center
地址	China
邮编	Beichen West Road Beijing
	100101

修改样本的提交信息

属性信息

样本编号	样本名称	物种	标题	状态	操作
SAMC018351	scRNA-seq of WJMSC21	Homo sapiens	scRNA-seq of WJMSC-1	Unchecked	<input type="button" value="修改"/> <input type="button" value="删除"/>
SAMC018352	scRNA-seq of WJMSC22	Homo sapiens	scRNA-seq of WJMSC-2	Unchecked	<input type="button" value="修改"/> <input type="button" value="删除"/>
SAMC018353	scRNA-seq of WJMSC23	Homo sapiens	scRNA-seq of BMMSC BM-1-Hex	Unchecked	<input type="button" value="修改"/> <input type="button" value="删除"/>
SAMC018354	scRNA-seq of WJMSC24	Homo sapiens	Bulk-seq of WJMSC-1	Unchecked	<input type="button" value="修改"/> <input type="button" value="删除"/>
SAMC018355	scRNA-seq of WJMSC25	Homo sapiens	Bulk-seq of WJMSC-2	Unchecked	<input type="button" value="修改"/> <input type="button" value="删除"/>
SAMC018356	scRNA-seq of WJMSC26	Homo sapiens	Bulk-seq of BMMSC BM-1-Hex	Unchecked	<input type="button" value="修改"/> <input type="button" value="删除"/>

Total Items: 6 Items of 1 - 6 Page size: 20 Page 1/1 << First Last >> Jump To: 1 GO

修改或删除已提交样本 Attributes 信息

在 BioSample 信息审核通过之后,即提交状态(Status)为 checked OK; confidential。用户可通过点击“**提交编号 (Submission ID)**”进入样本总览界面,更新发布日期(**Release date**)和修改**提交者信息 (Submitter information)**。不过,如果您还希望修改或删除已通过审核的样本属性(**Attribute**)信息,请通过 gsa@big.ac.cn 邮箱联系数据库工作组。

新建 BioSample BioSample Quick Start Guide BioSample使用说明

提交编号	样本标题	项目编号	物种名称	提交状态	发布日期	操作
subSAM018835	Batch Submission of Plant sample	PRJCA000618	Arabidopsis more	checked OK confidential (3 objects) show	2019-11-22	立即发布

↓

BIG Sub / BioSample / Submission: subSAM018835

基本信息

项目编号	PRJCA000618	
发布日期	2019-11-22	更新 修改样本的发布日期
样本数量	3	
样本类型	Plant sample	
状态	3 Samples are checked ok	
元数据文件	PRJCA000618-Plant.cn.test8.xlsx	

[联系我们](#)

提交者信息

提交者	Zhang Sisi zhangss@big.ac.cn
单位	Beijing Institute of Genomics, Chinese Academy of Sciences
部门	BIG Data Center
国家/地区	China
地址	Beichen West Road Beijing
邮编	100101

[修改](#) 修改样本的提交者信息

属性信息

样本编号	样本名称	物种	标题	状态	操作
SAMC018640	2	Arabidopsis	test	Checked OK	
SAMC018312	MS-1	Cucumis melo subsp. agrestis	MS-1	Checked OK	
SAMC018313	MS-2	Cucumis melo subsp. agrestis	MS-2	Checked OK	

Total Items: 3 | Items of 1 - 3 | Page size: 20 | Page 1/1 | << First | Last >> | Jump To: 1 | GO

BioSample 发布

如用户需要提前发布 BioSample 信息,可点击下图列表中“立即发布(Release Now)”控件,完成提前释放。BioSample 发布会触发其所属的 BioProject 发布。请注意当您的 BioSample 关联的数据集发布后(如 GSA、GWH 或是 GVM 数据集),与该数据集相关的 BioSample(s)将同时发布。

BioSample 发布后,提交状态为 checked OK; Public。如您还需修改其它信息,请通过 gsa@big.ac.cn 邮箱联系数据库工作组。

BIG Sub / BioSample

BioSample is a description of the biological source material; each physically unique specimen should be registered as a single BioSample with a unique set of attributes.

Create BioSample [BioSample Quick Start Guide\(US\)](#) [BioSample Quick Start Guide\(CN\)](#)

Submission ID	Title	Project Accession	Organism	Status	Release date	Operation
subSAM020681	Batch Submission of Human sample	PRJCA000644	Homo sapiens	finished confidential (6 objects) show	2019-11-22	Delete
subSAM019239	Batch Submission of Model organism or animal sample	PRJCA000635	Canis lupus familiaris	checked OK confidential	2019-11-15	ReleaseNow
subSAM019088	Batch Submission of Model organism or animal sample	PRJCA000635	Chilo suppressalis	finished confidential (7 objects) show	2020-11-08	Delete



BIG Sub / BioSample

BioSample is a description of the biological source material; each physically unique specimen should be registered as a single BioSample with a unique set of attributes.

Create BioSample [BioSample Quick Start Guide\(US\)](#) [BioSample Quick Start Guide\(CN\)](#)

Submission ID	Title	Project Accession	Organism	Status	Release date	Operation
subSAM020681	Batch Submission of Human sample	PRJCA000644	Homo sapiens	finished confidential (6 objects) show	2019-11-22	Delete
subSAM019239	Batch Submission of Model organism or animal sample	PRJCA000635	Canis lupus familiaris	checked OK Public	2019-05-17	
subSAM019088	Batch Submission of Model organism or animal sample	PRJCA000635	Chilo suppressalis	finished confidential (7 objects) show	2020-11-08	Delete